

Seznam vyšetřovaných genů u FH panelu

V uvedených genech jsou analyzovány kódující exony a přilehlé intronové oblasti v rozsahu 20 bp.

ABCA1	APOA1	APOE*	CYP27A1	HMGCR	LIPE	LPL	PPARG	USF1
ABCG5*	APOA2	BSCL2	CYP7A1	LCAT	LIPG	MLXIPL	SAR1B	
ABCG8*	APOA4	CAV1	DHCR7	LDLR*	LIP1	MTTP	SCARB1	
AGPAT2	APOA5	CAVIN1	EPHX2	LDLRAP1*	LMF1	MYLIP	SLC10A2	
AKT2	APOB*	CETP	GCKR	LIMA1	LMNA	NPC1L1	SORT1	
ANGPTL3	APOC2	CIDEC	GPD1	LIPA*	LMNB2	PCSK9*†	TNFRSF1B	
ANGPTL4	APOC3	CREB3L3	GPIHBP1	LIPC	LPA†	PLIN1	TRIB1	

† část sekvence genů se ve vysoce homologní podobě vyskytuje jinde v genomu; sekvenční analýza těchto oblastí je obtížně hodnotitelná.

*Akreditovaná metoda dle: SOPA-GL-06