

Seznam vyšetřovaných genů v panelu HAE s normálním C1 inh

V uvedených genech jsou analyzovány kódující exony a přilehlé intronové oblasti v rozsahu 20 bp

ANGPT1 CPN1 DAB2IP F12 HS3ST6 KNG1 MYOF PLG

Akreditovaná metoda dle: SOPA-GL-06